

# 硫氧还蛋白氧化还原酶(thioredoxin reductase, TrxR)试剂盒说明书

微量法 100T/96S

注意:正式测定之前选择 2-3 个预期差异大的样本做预测定。 测定意义:

TrxR 是一种 NADPH 依赖的包含 FAD 结构域的二聚体硒酶,属于吡啶核苷酸-二硫化物氧化还原酶家族成员,与硫氧还蛋白以及 NADPH 共同构成了硫氧还蛋白系统。TrxR 与 GR 活性类似,催化 GSSG 还原生成 GSH,是谷胱甘肽氧化还原循环关键酶之一。

## 测定原理:

TrxR 催化 NADPH 还原 DTNB 生成 TNB 和 NADP+, TNB 在 412 nm 有特征吸收峰,通过测定 412nm 波长处 TNB 的增加速率,即可计算 TrxR 活性。

#### 自备仪器和用品:

低温离心机、可调节移液器、可见分光光度计/酶标仪、微量玻璃比色皿/96 孔板、和蒸馏水。 试剂组成和配制:

试剂一:液体 120mL×1 瓶,4℃保存。

试剂二:液体 2mL×1 瓶,4℃避光保存。

试剂三: 粉剂×1 管, 4℃保存。临用前加入 2mL 蒸馏水溶解。

#### 粗酶液提取:

- 1. 组织:按照组织质量(g): 试剂一体积(mL)为1: 5~10 的比例(建议称取约 0.1g 组织,加入 1mL 试剂一)进行冰浴匀浆。8000g,4℃离心 10min,取上清置冰上待测。
- 2. 细菌、真菌:按照细胞数量( $10^4$ 个): 试剂一体积(mL)为  $500\sim1000$ : 1 的比例(建议 500 万细胞加入 1mL 试剂一),冰浴超声波破碎细胞(功率 300w,超声 3 秒,间隔 7 秒,总时间 3min);然后 8000g,4  $\mathbb{C}$  ,离心 10min,取上清置于冰上待测。
- 3. 血清等液体:直接测定。

## TrxR 测定操作:

- 1. 分光光度计/酶标仪预热 30 min,调节波长到 412nm,用蒸馏水调零。
- 2. 试剂一在 25℃ (一般物种) 或者 37℃ (哺乳动物) 预热 30min。
- 3. **空白管:** 取微量玻璃比色皿或 96 孔板,加入  $20\mu$ L 试剂二, $20\mu$ L 试剂三, $160\mu$ L 试剂一,迅速混匀后于 412 nm 测定 10 s 和 310 s 吸光度,记为 A1 和 A2。 $\triangle$ A 空白管=A2-A1。
- 4. **测定管:** 取微量玻璃比色皿或 96 孔板,加入  $20\mu$ L 试剂二, $20\mu$ L 试剂三, $140\mu$ L 试剂一, $20\mu$ L 上清液,迅速混匀后于 412 nm 测定 10 s 和 310 s 吸光度,记为 A3 和 A4。 $\triangle$ A 测定管 =A4-A3。

# 注意:空白管只需测定一次。

## TrxR 活性计算公式:

(1). 按蛋白浓度计算

活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每毫克蛋白每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。

TrxR(nmol/min /mg prot)=( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷ε÷d×V 反总÷(Cpr×V 样)÷T = 147×( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷Cpr

(2). 按样本质量计算

活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每克样本每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单



位。

- TrxR(nmol/min /g 鲜重)=( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷ $\epsilon$ +d×V 反总÷(W×V 样÷V 样总)÷T = 147×( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷W
- (3) 按细胞数量计算
- 活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每 10<sup>4</sup>个细胞每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。
- TrxR (nmol/min/10<sup>4</sup> cell) = (△A 测定管-△A 空白管) ÷ε÷d×V 反总÷(细胞数量×V 样÷V 样 总)÷T
  - = 147× (△A 测定管-△A 空白管)÷ 细胞数量
- (4) 按液体体积计算
- 活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每毫升液体每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。
- TrxR(nmol/min /mL)=( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷ $\epsilon$ ÷d×V 反总÷V 样÷T = 147×( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)
- ε: TNB 在 412nm 处的微摩尔消光系数,0.0136 L/μ mol/cm; d: 比色皿光径,1cm; V 反总: 反应体系总体积(L),200μL=2×10<sup>-4</sup> L; Cpr: 上清液蛋白质浓度(mg/mL),需要另外测定; W: 样品质量; V样: 加入反应体系中上清液体积(mL),20μL=0.02 mL; V 样总: 提取液体积,1 mL; T: 反应时间(min),5 min。
- b.使用 96 孔板测定的计算公式如下
- (1). 按蛋白浓度计算
- 活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每毫克蛋白每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。
- TrxR(nmol/min /mg prot)=( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷ε÷d×V 反总÷(Cpr×V 样)÷T = 294×( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷Cpr
- (2). 按样本质量计算
- 活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每克样本每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。
- TrxR(nmol/min /g 鲜重)=( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷ $\epsilon$ ÷d×V 反总÷(W×V 样÷V 样总)÷T = 294×( $\triangle$ A 测定管- $\triangle$ A 空白管)÷W
- (3) 按细胞数量计算
- 活性单位定义: 在 25℃或者 37℃中,每 10<sup>4</sup>个细胞每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶 活单位。
- TrxR(nmol/min/10<sup>4</sup> cell)=(△A 测定管-△A 空白管)÷ε÷d×V 反总÷(细胞数量×V 样÷V 样 总)÷T
  - = 294× (△A 测定管-△A 空白管)÷细胞数量
- (4) 按液体体积计算
- 活性单位定义:在 25℃或者 37℃中,每毫升液体每分钟催化 1nmol DTNB 还原为 1 个酶活单位。
- TrxR (nmol/min /mL) = ( $\triangle A$  测定管- $\triangle A$  空白管)  $\div \epsilon \div d \times V$  反总 $\div V$  样 $\div T$  = 294× ( $\triangle A$  测定管- $\triangle A$  空白管)
- ε: TNB 在 412nm 处的微摩尔消光系数, 0.0136 L/μ mol/cm; d: 96 孔板光径, 0.5cm; V 反



总:反应体系总体积 (L),  $200\mu$ L= $2\times10^4$ L; Cpr: 上清液蛋白质浓度 (mg/mL), 需要另外测定; W: 样品质量; V样: 加入反应体系中上清液体积 (mL),  $20\mu$ L=0.02 mL; V样总: 提取液体积, 1 mL; T: 反应时间 (min), 5 min。

# 注意事项:

- 1. 测定前须先取 1~2 个样做预实验,哺乳动物组织及血液制品 TrxR 活力测定时,一般须用蒸馏水稀释 5 倍左右;测定过程操作须迅速。
- 2. 试剂二和试剂三配制好后3天内使用完。